

App. ATP Km values (µM) as measured and used at ProQinase for testing of PROTEIN KINASES
with a FlashPlate-based radiometric protein kinase assay



No.	Kinase	ATP Km (mean; n=2-3)	ATP conc. for Service	No.	Kinase	ATP Km (mean; n=2-3)	ATP conc. for Service	No.	Kinase	ATP Km (mean; n=2-3)	ATP conc. for Service
1	ABL1 E255K	0,35	0,3	126	ERK7	1,40	1	251	NPM1 ALK F1174L	0,2	0,3
2	ABL1 F317I	0,30	0,3	127	FAK	0,62	1	252	p38-alpha	0,73	1
3	ABL1 G250E	0,27	0,3	128	FER	0,61	1	253	p38-beta	1,60	1
4	ABL1 H396P	0,35	0,3	129	FES	0,41	0,3	254	p38-delta	0,58	1
5	ABL1 M351T	0,29	0,3	130	FGF-R1 V561M	0,33	0,3	255	p38-gamma	0,29	0,3
6	ABL1 Q252H	0,46	0,3	131	FGF-R1 wt	1,85	3	256	PAK1	7,20	10
7	ABL1 T315I	0,15	0,1	132	FGF-R2	1,19	1	257	PAK2	1,60	1
8	ABL1 wt	0,25	0,3	133	FGF-R3 G697C	8,05	10	258	PAK3	3,78	3
9	ABL1 Y253F	0,39	0,3	134	FGF-R3 K650E	0,35	0,3	259	PAK4	2,50	3
10	ABL2	0,77	1	135	FGF-R3 K650M	0,33	0,3	260	PAK6	0,41	0,3
11	ACK1	1,20	1	136	FGF-R3 wt	2,17	3	261	PAK7	0,57	1
12	ACV-R1	4,90	3	137	FGF-R4	0,97	1	262	PASK	0,09	0,1
13	ACV-R1B	1,20	1	138	FGR	0,21	0,3	263	PBK	3,00	3
14	ACV-R2A	5,70	3	139	FLT3 D835Y	0,39	0,3	264	PCTAIRE1/CycY	0,26	0,3
15	ACV-R2B	4,70	3	140	FLT3 ITD	1,45	1	265	PDGFR-alpha wt	8,25	10
16	ACV-RL1	1,15	1	141	FLT3 wt	3,70	3	266	PDGFR-alpha D842V	0,09	0,1
17	AKT1	2,80	3	142	FRK	0,27	0,3	267	PDGFR-alpha T674	7,35	10
18	AKT2	1,60	1	143	FYN	0,39	0,3	268	PDGFR-alpha V561D	14,50	10
19	AKT3	0,34	0,3	144	GRK2	1,95	3	269	PDGFR-beta	0,37	0,3
20	ALK C1156Y (GST-HIS-tag)	0,38	0,3	145	GRK3	1,75	3	270	PKA	0,47	0,3
21	ALK F1174L (GST-HIS-tag)	0,20	0,3	146	GRK4	0,83	1	271	PHKG1	1,80	3
22	ALK F1174S (GST-HIS-tag)	0,30	0,3	147	GRK5	0,33	0,3	272	PHKG2	0,09	0,1
23	ALK L1196M (GST-HIS-tag)	0,33	0,3	148	GRK6	0,86	1	273	PIM1	0,16	0,1
24	ALK R1275Q (GST-HIS-tag)	0,44	0,3	149	GRK7	0,20	0,3	274	PIM2	0,36	0,3
25	ALK wt (GST-HIS-tag)	0,44	0,3	150	GS2	0,10	0,1	275	PIM3	0,14	0,1
26	AMPK-alpha1 fl	4,10	3	151	GSK3-alpha	0,41	0,3	276	PKA	0,57	1
27	ARR5	1,19	1	152	GSK3-beta	0,40	0,3	277	PKC-alpha	8,90	10
28	ASK1	2,70	3	153	HCK	0,28	0,3	278	PKC-beta1	9,40	10
29	Aurora-A	8,00	10	154	HIPK1	0,30	0,3	279	PKC-beta2	6,95	10
30	Aurora-B	12,43	10	155	HIPK2	0,37	0,3	280	PKC-delta	6,95	10
31	Aurora-C	4,08	3	156	HIPK3	0,26	0,3	281	PKC-epsilon	1,15	1
32	AXL	0,51	0,3	157	HIPK4	0,12	0,1	282	PKC-eta	1,85	3
33	BLK	0,52	0,3	158	HRI	0,48	0,3	283	PKC-gamma	13,23	10
34	BMPRIIA	0,74	1	159	IGF1-R	1,20	1	284	PKC-iota	10,02	10
35	BMX	1,45	1	160	IKK-alpha	0,37	0,3	285	PKC-mu	0,31	0,3
36	B-RAF V600E	2,20	3	161	IKK-beta	0,25	0,3	286	PKC-nu	1,85	3
37	B-RAF wt	0,86	1	162	IKK-epsilon	1,25	1	287	PKC-theta	5,55	3
38	BRK	1,85	3	163	INS-R	3,45	3	288	PKC-zeta	1,47	1
39	BRSK1	7,75	10	164	INSRR	2,15	3	289	PKC-zeta wt aa184-592 (PKM-zeta)	1,50	1
40	BTX	4,50	3	165	IRAK1	0,73	1	290	PLK1	0,79	1
41	CAMK1D	2,20	3	166	IRAK4	1,55	1	291	PLK3	0,32	0,3
42	CAMK2A	2,25	3	167	ITK	0,87	1	292	PRK1	0,25	0,3
43	CAMK2B	3,70	3	168	JAK1	1,50	1	293	PRK2	0,18	0,3
44	CAMK2D	1,06	1	169	JAK2	0,25	0,3	294	PRKD2	0,97	1
45	CAMK2G	1,20	1	170	JAK3	0,30	0,3	295	PRKG1	0,47	0,3
46	CAMK4	1,05	1	171	JNK1	0,24	0,3	296	PRKG2	1,60	1
47	CAMKK1	12,00	10	172	JNK2	0,65	1	297	PRKX	0,42	0,3
48	CAMKK2	2,50	3	173	JNK3	0,19	0,3	298	PYK2	1,65	1
49	CDC42BPA	0,02	0,1	174	KIT A829A	0,56	1	299	RAF1 Y340D/Y341D	0,28	0,3
50	CDC42BPB	0,03	0,1	175	KIT D816H	0,25	0,3	300	RET E762Q	1,35	1
51	CDK1/CycA	0,22	0,3	176	KIT D816V	0,10	0,1	301	RET G691S	0,97	1
52	CDK1/CycB1	0,94	1	177	KIT T670I	0,27	0,3	302	RET M918T	0,45	0,3
53	CDK1/CycE1	1,35	1	178	KIT V559D	0,67	1	303	RET R749T	0,94	1
54	CDK2/CycA	0,34	0,3	179	KIT V559D/T670I	0,38	0,3	304	RET R813Q	0,96	1
55	CDK2/CycE1	1,40	1	180	KIT V559D/V654A	0,43	0,3	305	RET S891A	0,64	1
56	CDK3/CycE1	2,65	3	181	KIT V560G	0,45	0,3	306	RET V804L	0,07	0,1
57	CDK4/CycD1	5,50	3	182	KIT V654A	0,48	0,3	307	RET V804M	0,44	0,3
58	CDK4/CycD3	6,25	10	183	KIT wt	5,40	3	308	RET wt	1,03	1
59	CDK5/p25NCK	0,19	0,3	184	LCK	0,39	0,3	309	RET Y791F	0,85	1
60	CDK5/p35NCK	0,16	0,1	185	LIMK1	1,60	1	310	RIPK2	2,75	3
61	CDK6/CycD1	4,15	3	186	LIMK2	6,05	3	311	RIPK5	1,10	1
62	CDK7/CycH/MAT1	2,50	3	187	LRKK2 G2019S	0,29	0,3	312	ROCK1	0,21	0,3
63	CDK8/CycC	2,55	3	188	LRKK2 I2020T	0,09	0,1	313	ROCK2	0,18	0,3
64	CDK9/CycK	1,14	1	189	LRKK2 R1441C	0,22	0,3	314	RON	0,57	1
65	CDK9/CycT	0,69	1	190	LRKK2 wt	0,23	0,3	315	ROS	0,53	0,3
66	CHK1	0,78	1	191	LTK	0,37	0,3	316	RPS8KA1	1,05	1
67	CHK2	1,70	1	192	LYN	0,29	0,3	317	RPS8KA2	1,40	1
68	CK1-alpha1	0,32	0,3	193	MAP3K1	0,09	0,1	318	RPS8KA3	0,97	1
69	CK1-delta	0,31	0,3	194	MAP3K7/IMP3K7IP1	0,29	0,3	319	RPS8KA4	0,98	1
70	CK1-epsilon	0,44	0,3	195	MAP3K9	8,60	3	320	RPS8KA5	0,83	1
71	CK1-gamma1	0,08	0,1	196	MAP3K10	1,35	1	321	RPS8KA6	1,65	1
72	CK1-gamma2	0,10	0,1	197	MAP3K11	2,90	3	322	SGK	2,75	3
73	CK1-gamma3	0,07	0,1	198	MAP4K2	2,25	3	323	SGK-beta	1,45	1
74	CK2-alpha1	0,09	0,1	199	MAP4K4	0,41	0,3	324	SAK	0,51	0,3
75	CK2-alpha2	0,13	0,1	200	MAP4K5	0,32	0,3	325	SGK1	0,70	1
76	CLK1	0,52	0,3	201	MAPKAPK2	0,04	0,1	326	SGK2	0,66	1
77	CLK2	0,31	0,3	202	MAPKAPK3	0,08	0,1	327	SGK3	1,45	1
78	CLK3	0,31	0,3	203	MAPKAPK5	0,16	0,1	328	SLK	1,55	1
79	CLK4	0,33	0,3	204	MARK1	0,96	1	329	SNARK	0,26	0,3
80	COT	23,75	3	205	MARK2	2,23	1	330	SNF1LK2	0,57	1
81	CSE1-R	0,21	0,3	206	MARK3	0,77	1	331	SNK	1,45	1
82	CSK	0,81	1	207	MARK4	5,20	3	332	SRC	0,45	0,3
83	DAPK1	0,09	0,1	208	MATK	0,61	1	333	SRMS	3,75	3
84	DAPK2	0,06	0,1	209	MEK1 wt	2,15	3	334	SRPK1	0,21	0,3
85	DAPK3	0,15	0,1	210	MEK2	0,51	0,3	335	SRPK2	0,20	0,3
86	DCAMK2	1,17	1	211	MEKK2	0,45	0,3	336	STK17A	0,12	0,1
87	DDR2 wt	0,25	0,3	212	MEKK3	0,16	0,1	337	STK23	0,48	0,3
88	DDR2 N456S	1,70	1	213	MELK	0,12	0,1	338	STK25	0,38	0,3
89	DDR2 T654M	0,22	0,3	214	MERTK	0,35	0,3	339	STK33	1,14	1
90	DMPK	0,05	0,1	215	MET wt	0,45	0,3	340	STK39	1,45	1
91	DNA-PK	0,94	1	216	MET D1228H	0,48	0,3	341	SYK	0,89	1
92	DYRK1A	0,63	1	217	MET D1228N	0,27	0,3	342	TAOK2	0,30	0,3
93	DYRK1B	1,30	1	218	MET F1200I	0,20	0,3	343	TAOK3	0,60	1
94	DYRK2	0,71	1	219	MET M1250T	0,18	0,3	344	TBK1	0,55	1
95	DYRK3	0,21	0,3	220	MET Y1230A	0,30	0,3	345	TEC	15,85	10
96	DYRK4	0,09	0,1	221	MET Y1230C	0,35	0,3	346	TGFB-R1	1,09	1
97	EEF2K	0,70	1	222	MET Y1230D	0,37	0,3	347	TGFB-R2	0,06	0,1
98	EGF-R d746-750	2,40	3	223	MET Y1230H	0,27	0,3	348	TIE2 wt	0,66	1
99	EGF-R d747-749/A750F	1,30	1	224	MET Y1235D	2,25	3	349	TIE2 R849W	0,73	1
100	EGF-R d747-752/P753S	1,60	1	225	MINK1	0,65	1	350	TIE2 Y897S	0,57	1
101	EGF-R d752-759	0,83	1	226	MKK4	0,16	0,1	351	TIE2 Y1108F	1,75	3
102	EGF-R G719C	0,56	1	227	MKK6 S207D/T211D	0,80	1	352	TLK1	0,22	0,3
103	EGF-R G719S	0,49	0,3	228	MKK7	4,80	3	353	TLK2	0,07	0,1
104	EGF-R L858R	0,90	1	229	MKNK1	5,40	1	354	TRK-A	0,18	3
105	EGF-R L861Q	0,49	0,3	230	MKNK2	0,46	0,3	355	TRK-B	0,43	0,3
106	EGF-R T790M	0,20	0,3	231	MST1	0,55	0,3	356	TRK-C	0,30	0,3
107	EGF-R T790M/L858R	0,19	0,3	232	MST2	0,58	1	357	TSF1	0,14	0,1
108	EGF-R wt	0,51	0,3	233	MST3	0,66	1	358	TSK2	2,47	3
109	EIF2AK2	0,39	0,3	234	MST4	0,95	1	359	TSSK1	0,25	0,3
110	EIF2AK3	0,20	0,3	235	mTOR	4,40	1	360	TTK	0,49	0,3
111	EPHA1	0,76	1	236	MUSK	14,74	10	361	TXK	1,02	1
112	EPHA2	3,40	3	237	MYLK	0,09	0,1	362	TYK2	0,13	0,1
113	EPHA3	3,70	3	238	MYLK2	0,88	1	363	TYRO3	0,58	1
114	EPHA4	13,66	10	239	MYLK3	0,09	0,1	364	VEGF-R1	0,73	1
115	EPHA5	1,60	1	240	NEK1	19,75	30	365	VEGF-R2	1,45	1
116	EPHA7	0,87	1	241	NEK11	1,60	1	366	VEGF-R3	2,35	3
117	EPHA8	0,27	0,3								

App. ATP Km values (μM) as measured and used at ProQinase for testing
of LIPID KINASES with the ADP-Glo™ kinase assay (Promega)



No.	Kinase	ATP Km (measured value)	ATP conc. for Service
1	PIK3CA/PIK3R1	151	150
2	PIK3CB/PIK3R1	277	300
3	PIK3CD/PIK3R1	688	500
4	PIK3CG	60	100
5	PIK3C2A	17	20
6	PIK3C2B	3,5	5
7	PIK3C2G	90	100
8	PIK3C3	27	20
9	PI4KB	7,5	10
10	PI4K2A	3,4	5
11	PI4K2B	6,2	10
12	PIP5K1A	2,6	3
13	PIP5K1C	7,1	10

ATP Km values and ATP conc. for the services can vary depending on the specific lot being used.

Vers. 02/2013